



Letter to Editor

Urgent Need for Genomic Surveillance of Candida Auris in Iran

Sahar Khodashenas¹ , Mojtaba Didedar^{1*} 

1. Department of Medical Parasitology and Mycology, Faculty of Medicine, Arak University of Medical Sciences, Arak, Iran

* Corresponding author: Mojtaba Didedar, Department of Medical Parasitology and Mycology, Faculty of Medicine, Arak University of Medical Sciences, Arak, Iran. Email: didedar_m@yahoo.com

DOI: [10.22034/cmja.16.1.1](https://doi.org/10.22034/cmja.16.1.1)

How to Cite this Article:

Khodashenas S, Didedar M. Urgent Need for Genomic Surveillance of Candida Auris in Iran. *Complement Med J.* 2026;16(1): 1-3 DOI: [10.22034/cmja.16.1.1](https://doi.org/10.22034/cmja.16.1.1)

Received: 05 January 2026

Accepted: 20 Apr 2026

Abstract

This Article hasn't Abstract

© 2026 Arak University of Medical Sciences



ضرورت فوری نظارت ژنومی بر کاندیدا اوریس در ایران

سحر خداشناس^۱ ID، مجتبی دیده‌دار^{۱*} ID

۱. گروه انگل‌شناسی و قارچ‌شناسی پزشکی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اراک، اراک، ایران

* نویسنده مسئول: مجتبی دیده‌دار، گروه انگل‌شناسی و قارچ‌شناسی پزشکی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اراک، اراک، ایران.
ایمیل: didehdar_m@yahoo.com

چکیده

این مقاله چکیده ندارد

تاریخ دریافت: ۱۴۰۴/۱۰/۱۵

تاریخ پذیرش: ۱۴۰۵/۰۱/۳۱

واژگان کلیدی:

کاندیدا اوریس، ایران

تمامی حقوق نشر برای دانشگاه علوم پزشکی اراک محفوظ است.

توالی‌یابی کل ژنوم (WGS) راهکاری مؤثر برای رفع این محدودیت‌ها محسوب می‌شود. کشورهایی که WGS را در نظام پایش خود به کار گرفته‌اند، موفق به شناسایی سریع‌تر شیوع‌ها، واکنش به‌موقع و تقویت اقدامات کنترلی مبتنی بر شواهد شده‌اند. در شرایط ایران، که به نظر می‌رسد کلاد V غالب است، نظارت ژنومی نقش حیاتی در هدایت مدیریت منطقی داروهای ضدقارچ و مداخلات بهداشت عمومی دارد (۳).

بر این اساس، پیشنهاد می‌شود که مقامات بهداشتی و مراکز دانشگاهی کشور، ایجاد یک برنامه ملی هماهنگ مبتنی بر WGS برای پایش کاندیدا / اوریس را در اولویت قرار دهند. چنین برنامه‌ای می‌تواند به شناسایی زود هنگام سویه‌های پرخطر، حمایت از تیم‌های کنترل عفونت بیمارستانی و بهبود تصمیم‌گیری‌های سیاستی در سطح ملی کمک کند.

افزایش شناسایی کاندیدا / اوریس در بیمارستان‌های ایران نشان‌دهنده یک چالش مهم در سیاست‌های ملی کنترل عفونت است. شواهد حاصل از مطالعات اخیر نشان می‌دهد که بیشتر جدایه‌های گزارش شده در کشور متعلق به کلاد V هستند؛ کلادی که با مقاومت بالا به فلوکونازول و بروز نگرانی‌هایی درباره کاهش حساسیت به آمفوتریسین B همراه است. این الگوی مقاومت، گزینه‌های درمانی موجود را محدود کرده و خطر انتقال بیمارستانی را افزایش می‌دهد (۲،۱).

با وجود اهمیت بالینی این پاتو ژن، در بسیاری از آزمایشگاه‌ها هنوز از روش‌های فنوتیپی متداول برای شناسایی استفاده می‌شود. این روش‌ها مستعد خطای شناسایی بوده و امکان تعیین کلاد یا شناسایی جهش‌های مرتبط با مقاومت را فراهم نمی‌کنند. در نتیجه، رخدادهای انتقال و کلون‌های مقاوم ممکن است شناسایی نشوند.

References

1. Chow NA, De Groot T, Badali H, Abastabar M, Chiller TM, Meis JF. Potential fifth clade of *Candida auris*, Iran, 2018. *Emerg Infect Dis.* 2019;25(9):1780. doi: [10.3201/eid2509.190686](https://doi.org/10.3201/eid2509.190686)
2. Spruijtenburg B, Badali H, Abastabar M, Mirhendi H, Khodavaisy S, Sharifisooraki J, et al. Confirmation of fifth *Candida auris* clade by whole genome sequencing. *Emerg Microbes Infect.* 2022;11(1):2405-11. doi: [10.1080/22221751.2022.2125349](https://doi.org/10.1080/22221751.2022.2125349)
3. Douglas AP, Stewart AG, Halliday CL, Chen SC-A. Outbreaks of fungal infections in hospitals: epidemiology, detection, and management. *J Fungi.* 2023;9(11):1059. doi: [10.3390/jof9111059](https://doi.org/10.3390/jof9111059)